

网站简介链接地址:

http://sm.nwsuaf.edu.cn/2010/showart.php?clu_id=13&art_id=847

1. 基本信息

陶士珩，男，1961年生，安徽歙县人。西北农林科技大学二级教授，博士生导师。1982年本科毕业于南京气象学院农业气象专业；1985年硕士研究生毕业于西南农业大学农业气候专业，同年分配到西北农业大学，从事农业气象学教学与科研；1996年7月晋升副教授；1998年7月获西北农业大学农学博士学位。1999年6月至2001年5月在复旦大学遗传学研究所做群体与数量遗传学博士后研究。2001年12月晋升教授。2007年1月至2008年1月赴美国亚利桑那大学进化与生态学系做访问学者研究。现任教于西北农林科技大学生命科学学院生物信息学教研组，任西北农林科技大学生物信息学研究中心主任。



2. 研究方向

基因组序列分析与信息挖掘、分子进化与系统发育。

3. 开设课程

先后承担本科生《生物信息学》、硕士研究生《遗传分析》、《生物信息学》、《分子进化》、博士研究生《生物信息学研究进展》等课程的教学。

目前已培养硕士研究生21名，博士研究生3名；在读硕士研究生12名，博士研究生4名。

4. 学术成果

近年来致力于生物信息学、分子进化、群体遗传学等领域的教学与科研工作。目前主要研究方向为：1) 基因组序列分析与信息挖掘，2) 分子进化与系统发育；目前主要从事氨基酸替换特性与插入缺失规律、蛋白质序列对位评分体系构建、MADS 基因家族调控表达网络构建、互作蛋

白质协同进化、基因重要性决定因素指标体系、生物自主突变率进化的计算机模拟实验等领域的研究。曾获省部级科技进步二等奖(第三名)一项, 国家科技进步二等奖(集体奖)一项。主持国家重点实验室开放课题 3 项、校长基金 1 项, 参加“863”课题 1 项。5 年来在 BMC Bioinformatics, BMC Genomics, 等 SCI 源刊物发表研究论文 14 篇(详见附录)

附, 近 5 年来的主要论著

Hongxia Pang, ... S.H. Tao, Statistical Distributions of Optimal Global Alignment Scores of Random Protein Sequences. BMC Bioinformatics 6:257 (15 October 2005) (SCI, IF =5.423) (通讯作者)

Jingfeng Chen, ..., S.H. Tao. significant positive correlation between the recombination rate and GC content in the human pseudoautosomal region Genome 2006 Volume 49, Number 5, May 2006: 413-419 (SCI, IF=2.1) (通讯作者)

Jingjing Li, ..., S.H. Tao. A New Method for RAPD Primers Selection Based on Primer Bias in Nucleotide Sequence Data. J. of biotechnology?126(2006):415 - 423? (SCI, IF=2.687) (通讯作者)

5. 联系方式

通讯地址: 陕西杨凌西农路 22 号 西北农林科技大学生命科学学院

邮编: 712100

联系电话: 029-87091060 (办)

Email: shihengt@nwsuaf.edu.cn